

Figure 5-7 Structure d'une molécule d'ARNt typique. Les régions appariées de la molécule sont montrées schématiquement à gauche sur une structure en « feuille de trèfle », et une esquisse de la conformation tridimensionnelle déterminée par diffraction des rayons X est présentée à droite. Noter que la molécule est en forme de L, une des extrémités étant conçue pour accepter l'acide aminé alors que l'autre contient les trois nucléotides de l'anti-codon. L'acide aminé est attaché au résidu A d'une séquence CCA à l'extrémité 3' de la molécule (voir Figure 5-11).

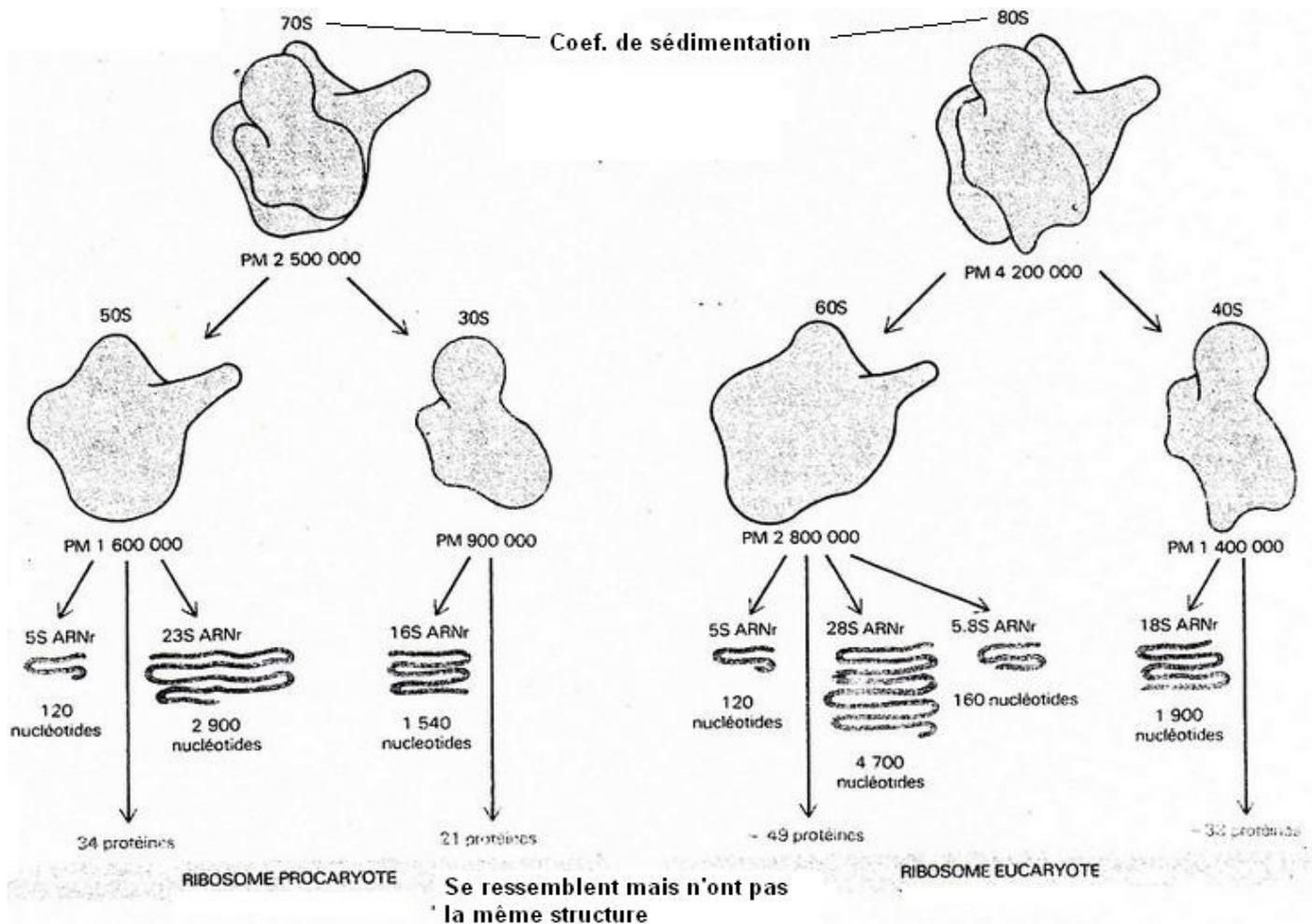


Figure 5-18 Comparaison des structures des ribosomes procaryote et eucaryote. Les composants ribosomiaux sont généralement désignés par leur « S », qui représente leur vitesse de sédimentation par ultracentrifugation (voir p. 165). Noter qu'en dépit des différences de nombre et de taille de leur ARNr et de leurs composants protéiques, les deux ribosomes ont presque

la même structure et fonctionnent de façon très semblable. Par exemple, bien que les ARNr 18S et 28S du ribosome eucaryote contiennent de nombreux nucléotides supplémentaires qui ne sont pas présents chez leurs analogues bactériens, ces nucléotides existent sous la forme d'insertions multiples qui laissent la structure de base de chaque ARNr en grande partie inchangée (voir Figure 5-17).